

Fig 1 : Alignment of the BASB113 polynucleotide sequences.

Identity to SeqID No:1 is indicated by a dot. Gap is indicated by a dash.

	*	20	*
Seqid1 :	ATGAAAATTAAAGCATTGGGTGTTGTGCTG	:	30
Seqid3 :	:	30

	40	*	60
Seqid1 :	TTGGCATCAAGTATGGCTTGCGAGGTTGT	:	60
Seqid3 :	:	60

* 80 *
Seqid1 : GCAAATACAGGCACAACCTGGCAATGGCACA : 90
Seqid3 : : 90

100 * 120
Seqid1 : GGATTGGTGGTGCTAATGTCAATAAGGCG : 120
Seqid3 : : 120

* 140 *
Seqid1 : GTGATTGGGGCTGTGGCAGGTGCACTTGGC : 150
Seqid3 : : 150

160 * 180
Seqid1 : GGTACTGCCATTCAAAAGCAACTGGTGGC : 180
Seqid3 : : 180

* 300 *

Seqid1 : GAAAAAACAGGTCGTGATGCCATTTGGGG : 210
Seqid3 : : 210

220 * 240
Seqid1 : GCGGCAGTTGGTGCAGCAGCAGGGCGTAT : 240
Seqid3 : : 240

* 260 *
Seqid1 : ATGGAGCGTCAAGCAAAGCAGATTGAGCAA : 270
Seqid3 : : 270

280 * 300
Seqid1 : CAAATGCAAGGAACGGCGTGACTGTAACC : 300
Seqid3 : : 300

* 320 *
Seqid1 : CACGATACCGACACGGTAATATTAATCTA : 330
Seqid3 : : 330

340 * 360
Seqid1 : ACTATGCCAGGTAATATTACTTTGCTCAT : 360
Seqid3 : : 360

* 380 *
Seqid1 : GATGACGATACTTAAACAGTGCATTTTG : 390
Seqid3 : : 390

10/018561-000502

400 * 420
Seqid1 : GGTCGTTAACCAAGCTGGCTAATACGATG : 420
Seqid3 : : 420

* 440 *

Seqid1 : AATCAGTATCATGAAACAAACGATTGTCATT : 450
Seqid3 : : 450

460 * 480

Seqid1 : GTAGGACATACAGACTCAACGGGTCAAGCG : 480
Seqid3 : : 480

* 500 *

Seqid1 : GCTTATAATCAAGAGCTGTCTGAGCGTCGA : 510
Seqid3 : : 510

520 * 540
Seqid1 : GC GGATT CAGT GCGTT ATTACTTGATTAAT : 540
Seqid3 : : 540

* 560 *
Seqid1 : CAAGGCGTTGATCCATATCGTATTCA GACA : 570
Seqid3 : : 570

580 * 600

Seqid1 : GTGGGGTATGGTATGCGACAAACCGATTGCA : 600
Seqid3 : : 600

* 620 *

Seqid1 : TCGAATGCAACCGAAGCAGGTCTGCTCAA : 630
Seqid3 : : 630

640 * 660

Seqid1 : AATGCCGTGTTGAGCTGATGATTAGCA : 660
Seqid3 : : 660

*

Seqid1 : CCGCAGGGTATGTAA : 675
Seqid3 :- : 672

Fig 2 : Alignment of the BASB113 polypeptide sequences.**Identity to SeqID No:2 is indicated by a dot. Gap is indicated by a dash.**

* 20 *

Seqid2 : MKIKALGVVLLASSSMALAGCANTGTTGNGT : 30
Seqid4 : : 30

40 * 60

Seqid2 : GFGGANVNKAVIGAVAGAGALGGTAISKATGG : 60
Seqid4 : : 60

* 80 *

Seqid2 : EKTGRDAILGAAVGAAAGAYMERQAKQIEQ : 90
Seqid4 : : 90

100 * 120

Seqid2 : QMQGTGVTVTHDTDTGNINLTMPGNITFAH : 120
Seqid4 : : 120

* 140 *

Seqid2 : DDDTLNSAFLGRLNQLANTMNQYHETTIVI : 150
Seqid4 : : 150

160 * 180

Seqid2 : VGHTDSTGQAAYNQELSERADSVRYYLIN : 180
Seqid4 : : 180

* 200 *

Seqid2 : QGVDPYRIQTVGYGMRQPIASNATEAGRAQ : 210
Seqid4 : : 210

220

Seqid2 : NRRVELMILAPQGM : 224
Seqid4 : : 224

Fig 3-A : Coomassie stained SDS-polyacrylamide gel of purified BASB113

Fig 3-B: Western-blotting of purified BASB113 (anti-His antibody).

Figure 3A

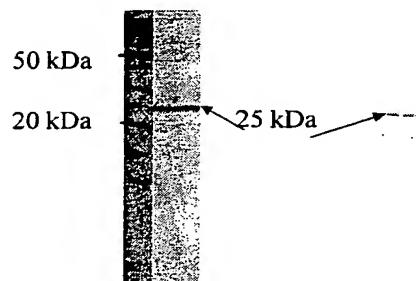


Figure 3B